BiomeFx™

FUNCTIONAL MICROBIOME ANALYSIS

KIT DE SAÚDE VAGINAL

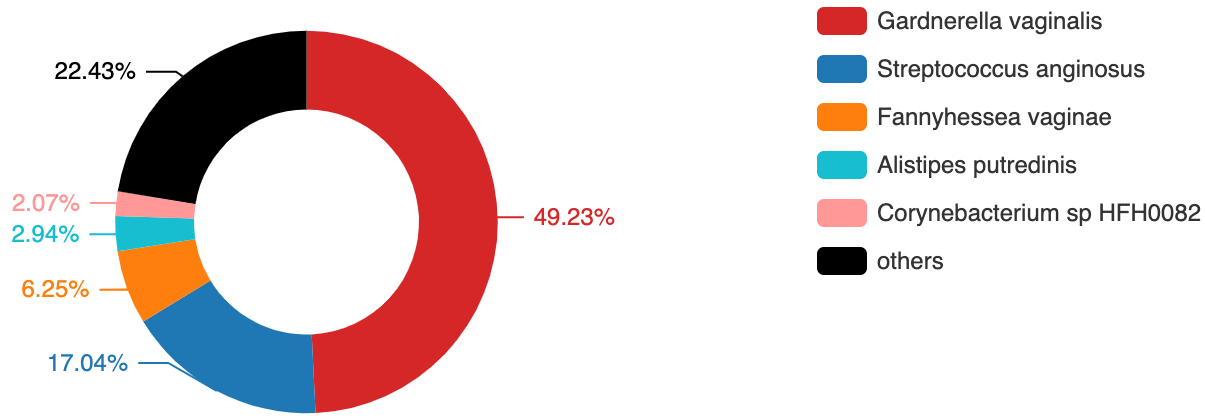
Os resultados deste teste são apenas para finalidades informativas e não devem substituir aconselhamento médico profissional, processos diagnósticos ou tratamentos. Procure sempre o seu profissional de saúde quando tiver dúvidas sobre uma condição médica.

ID Amostra: 16141 **Data:** 6/7/2022 **Página:** 1

Seu perfil microbiano completo

Esta seção explora a composição do seu perfil microbiano completo, incluindo bactérias e fungos. O teste Biome FX utiliza o método mais avançado de sequenciamento de genoma (shotgun) para capturar o microbioma vaginal.

Seu perfil microbiano completo



Espécie	Abundância Relativa	Espécie	Abundância Relativa
Gardnerella vaginalis	49.23%	Bifidobacterium bifidum	0.38%
Streptococcus anginosus	17.04%	Anaerococcus sp PH9	0.38%
Fannyhessea vaginae	6.25%	Parabacteroides sp 20 3	0.35%
Alistipes putredinis	2.94%	Peptoniphilus harei	0.35%
Corynebacterium sp HFH0082	2.07%	Bacteroides uniformis	0.35%
Ruminococcus sp 5 1	1.95%	[Ruminococcus] torques	0.35%
Escherichia coli	1.08%	Phocaeicola vulgatus	0.35%
Faecalibacterium prausnitzii	1.02%	Eggerthella lenta	0.32%
Prevotella bivia	1.02%	Bacteroides fragilis	0.32%
Blautia wexlerae	0.99%	Prevotella corporis	0.29%
Blautia obeum	0.96%	Oscillibacter sp ER4	0.29%
Bifidobacterium gallinarum	0.89%	Finegoldia magna	0.29%
Bifidobacterium pullorum	0.73%	Corynebacterium aurimucosum	0.26%
Alistipes onderdonkii	0.61%	Alistipes finegoldii	0.26%
Phocaeicola dorei	0.57%	Roseburia hominis	0.22%
Bifidobacterium saeculare	0.54%	Prevotella disiens	0.22%
[Eubacterium] rectale	0.54%	Corynebacterium amycolatum	0.22%
Bacteroides cellulosilyticus	0.51%	Eggerthella sp HGA1	0.22%
Phocaeicola barnesiae	0.48%	Ruminococcus bicirculans	0.19%
Anaerococcus lactolyticus	0.48%	Phocaeicola salanitronis	0.19%
Alistipes sp AL 1	0.48%	Ruminococcus callidus	0.19%
Enterocloster clostridioformis	0.48%	Dorea longicatena	0.19%
Alistipes shahii	0.41%	Pseudoglutamicibacter albus	0.19%
Collinsella sp 4 8	0.38%	Bacteroides salyersiae	0.19%
Collinsella aerofaciens	0.38%	Mycobacterium tuberculosis	0.16%

Seu perfil microbiano completo (continuado)

Esta seção explora a composição do seu perfil microbiano completo, incluindo bactérias e fungos. O teste BiomeFX utiliza o método mais avançado de sequenciamento de genoma (shotgun) para capturar o microbioma vaginal.

Espécie	Abundância Relativa
Parabacteroides distasonis	0.16%
Erysipelotrichaceae bacterium 21_3	0.16%
Bacteroides sp D20	0.16%
Peptostreptococcus anaerobius	0.16%
Burkholderiales bacterium 1_1_47	0.16%
Melampsora pinitorqua	0.16%
Parabacteroides merdae	0.1%
Streptococcus sp HSISS4	0.06%
Clostridiales bacterium VE202-26	0.06%
Streptococcus thermophilus	0.03%

O BiomeFX não é um teste diagnóstico. Se os índices apresentados abaixo estiverem fora do normal, consulte seu profissional de saúde que poderá fazer um diagnóstico e providenciar tratamento, caso necessário.

Seu perfil microbiano vaginal: Tipo IV

Bactérias Comensais Associadas com Saúde Vaginal

Espécie	Abundância Relativa da Amostra
Lactobacillus species	Não Detectadas

Bactérias Oportunistas

(vivem em simbiose em condições normais)

Espécie	Abundância Relativa da Amostra
Gardnerella vaginalis	49.23
Prevotella bivia	1.02
Prevotella corporis	0.29
Prevotella disiens	0.22

Patobiontes

(podem existir sem causar danos, mas são potencialmente patogênicas)

Espécie	Abundância Relativa da Amostra
Escherichia coli	1.08

Fungos Oportunistas

(geralmente adquiridos através do ambiente ou outras partes do corpo)

Espécie	Abundância Relativa da Amostra
Melampsora pinitorqua	0.16

Estado da Comunidade Microbiana Referência de Tipos

Estado da Comunidade Tipo I

Lactobacillus crispatus dominante. ECT I é considerado um microbioma saudável. Não está associado com doenças ou infecções e é o Estado de Comunidade mais estável. L. cirspatus contribui a um pH vaginal baixo (o que é considerado bom), e produz ácidos D e L-lácticos.

Estado da Comunidade Tipo II

Lactobacillus gasseri dominante. ECT II é considerado um microbioma saudável. L. gasseria produz ácidos D e L-lácticos, podendo inibir a aderência de doenças sexualmente transmissíveis (DSTs) e contribuindo a um pH vaginal baixo.

Estado da Comunidade Tipo III

Lactobacillus iners dominante. ECT III já foi associado à saúde e disbiose. L. iners apenas produz ácido L-láctico, que pode ser menos protetor que o ácido D-láctico e não contribui a um pH vaginal baixo tanto quanto as outras espécies Lactobacillus. L. iners também foi associado com partos prematuros e processos pró-inflamatórios.

Estado da Comunidade Tipo IV

Sem dominância Lactobacillus. Este estado de comunidade não é dominado por Lactobacillus e geralmente possui mais diversidade microbiana que outros estados de comunidade. Esse ambiente é menos estável e é associado à disbiose e vaginose bacteriana. Apesar de ser um estado de comunidade que vale ser mencionado, também pode ser um estado normal para várias mulheres, principalmente durante o período pós-menopausa pois o estrogênio reduzido é associado com reduções em Lactobacilli. Este estado de comunidade pode estar associado com risco aumentado de contrair infecções urinárias, DSTs e vaginose bacteriana.

Estado da Comunidade Tipo V

Lactobacillus jensenii dominante. ECT V é considerado um microbioma saudável. Esse estado de comunidade é considerado estável e protege contra DSTs e vaginose bacteriana, e também é associado a um baixo risco de infertilidade e inflamação pélvica.

Lactobacillus Dominante sem Tipo de Estado

Lactobacillus dominante, mas não pertence a um tipo de estado de comunidade (Lactobacillus_u_s ou outras espécies de Lactobacillus).